

Molecular characterization of Salmonella enterica ser. Infantis multiresistant strains isolated in Marche region - Caratterizzazione molecolare di ceppi di Salmonella enterica sierotipo Infantis multiresistenti isolati nella regione Marche

Dionisi A. M.⁽¹⁾, Staffolani M.⁽²⁾, Valli M. B.⁽³⁾, Fisichella S.⁽²⁾, Lucarelli C.⁽¹⁾, Owczarek S.⁽¹⁾, Luzzi I.⁽¹⁾

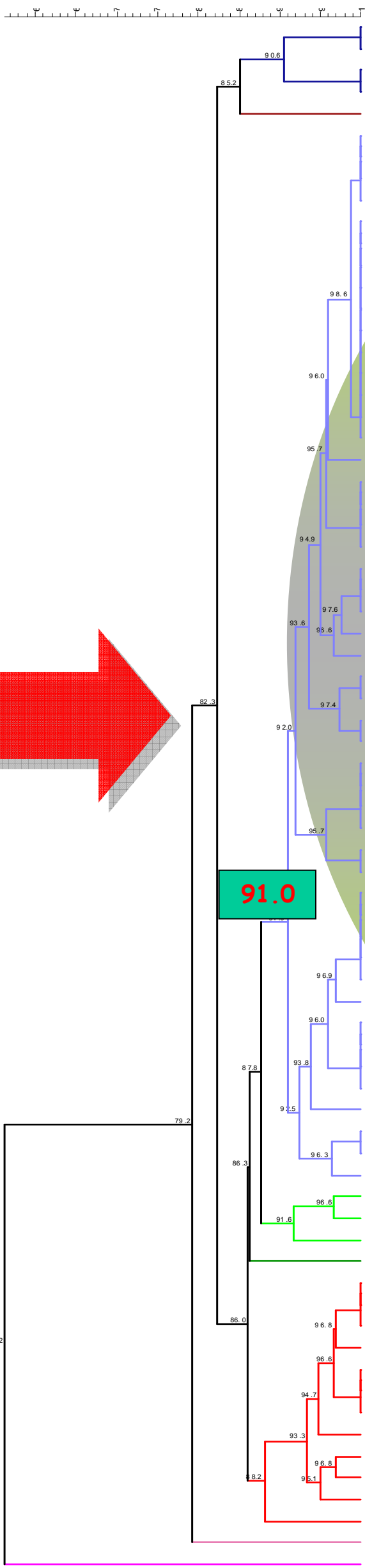
(a) Dipartimento di malattie infettive, parassitarie ed immunomediate, Istituto Superiore di Sanità, Roma;

(b) Istituto Zooprofilattico Sperimentale Umbria Marche, Macerata;

(c) Istituto Nazionale Malattie Infettive "L. Spallanzani", Roma.

Omologia genetica

PFGE-XbaI



cod.ceppo

origine

R-type

pr. isolamento

cod.ceppo	origine	R-type	pr. isolamento
61375	umano	S	pg
953/04	umano	ST	pu
32606/04	ambiente	SSuNa	pu
50265	umano	STNa	pu
5820/03	umano	Suscept	an
30922/05	alimento	Suscept	an
61371	umano	ACSSuTTmpSxtK	pg
60814	umano	ACSSuTTmpSxtK	ap
61252/02	animale	Suscept	ap
11687/06	ambiente	ACSSuTSxt	pu
16252/05	ambiente	ACSSuTTmpSxtK	pu
37790/105	alimento	Suscept	mc
45253/05	ambiente	Suscept	pu
59453	umano	ACSSuTTmpSxtK	ap
60018	umano	ACSSuTTmpSxtK	an
60369	umano	ACSSuTTmpSxtK	mc
60809	umano	Suscept	mc
60813	umano	ACSSuTTmpSxtK	an
61363	umano	ACSSuTTmpSxtK	pg
65896	umano	Suscept	pg
54162/02	alimento	Suscept	ap
3722/06	ambiente	ACSSuTTmpSxtK	pu
37790/1105	alimento	ACSSuTTmpSxtK	mc
59139	umano	ACSSuTTmpSxtK	pu
60019	umano	ACSSuTTmpSxtK	mc
11686/06	ambiente	ACSuTTmpSxtK	pu
11688/06	ambiente	ACSSuTTmpSxtK	pu
11689/06	ambiente	ACSSuTTmpSxtK	pu
60372	umano	ACSSuTTmpSxtK	mc
26064/3/03	alimento	ACSSuTTmpSxtK	ap
63194	umano	ACSSuTTmpSxtK	an
66822	umano	ACSSuTTmpSxtKAmc	mc
59141	umano	ACSSuTTmpSxtK	pu
61396	umano	ACSSuTTmpSxtK	pg
35865/1	alimento	ACSSuTTmpSxtK	mc
66817	umano	ACSSuTTmpSxtK	mc
60019/#1	umano	ACSSuTTmpSxtK	mc
60830	umano	ACSSuTTmpSxtK	ap
33633/3/06	animale	Suscept	ap
73111	umano	Suscept	tn
14519/03	ambiente	Suscept	pu
33633/9/12	animale	Suscept	ap
33826/1/06	animale	Suscept	ap
63687	umano	ASSuT	tn
70346	umano	Suscept	m
60136	umano	ACSSuTTmpSxtK	pg
22533/06	ambiente	Suscept	pu
33826/7/09	animale	Suscept	ap
59140	umano	Suscept	pu
73064	umano	Suscept	tn
53764	umano	Su	an
32602/04	ambiente	Suscept	pu
58732/02	umano	Suscept	an
33633/5/09	animale	Suscept	ap
3728/06	ambiente	ACSuTTmpSxtK	pu
54709	umano	T	pu
8813/05	ambiente	Suscept	pu
27095/06	alimento	Suscept	pu
26433/03	alimento	Suscept	an
26438/04	alimento	SSuTNa	pu
4567/03	alimento	SSuTSxt	pu
26106/05	alimento	SSuTNa	pu
5971	umano	Suscept	mc
77790	umano	Suscept	tn
8814/05	ambiente	Suscept	pu
65400	umano	Suscept	mc
27507/05	alimento	SSuTNa	pu
36031/105	alimento	SSuTNa	pu
28781/1/05	alimento	ASSuTNaAmcSxt	pu
42927/02	umano	Suscept	an
41447/04	alimento	Suscept	ap
6299	umano	Suscept	tn

Figura 4: cluster analysis dei 72 ceppi analizzati; in evidenza il cluster con omologia $\geq 90\%$ comprendente i ceppi con R-type ACSSuTKSxt.